



научно-методический журнал

ISSN 0320-9660

1
2023

БИОЛОГИЯ

В ШКОЛЕ



РИБОСОМЫ И БИОСИНТЕЗ БЕЛКА

**РЕАЛИЗАЦИЯ ОБНОВЛЕННЫХ ФГОС ООО
В РАБОТЕ УЧИТЕЛЯ БИОЛОГИИ**

**ЦИФРОВЫЕ КОМПЕТЕНЦИИ БУДУЩИХ УЧИТЕЛЕЙ
БИОЛОГИИ ПРИ СМЕШАННОМ ОБУЧЕНИИ**

БИОЛОГИЯ В ШКОЛЕ



В НОМЕРЕ:

1/2023



НАУКА

- 3 **Иванищев В.В.**
Рибосомы и биосинтез белка



МЕТОДИКА ПРЕПОДАВАНИЯ

- 10 **Смелова В.Г.**
Учебно-исследовательская и проектная деятельность по биологии в условиях обновления ФГОС ООО
- 18 **Хайбулина К.В.**
Реализация обновленных ФГОС ООО в работе учителя биологии

Опыт, педагогические находки

- 28 **Потапова Н.А.**
Внеурочное занятие «Проект «Теню человека»»
- 36 **Сухова Т.С.**
Роль контроля биологических знаний при решении задач развития и воспитания учащихся

Биологическое образование за рубежом

- 46 **Суматохин С.В., Есмаханова Ж.Ш.**
Цифровые компетенции будущих учителей биологии при смешанном обучении



УЧИТЕЛЮ ЭКОЛОГИИ

- 50 **Таранец И.П., Попова Л.В., Пикуненко М.М.**
Что знают школьники об охране природы: анализ ответов учащихся на задания Всероссийской олимпиады школьников по экологии
- 56 **Сапанова Н.Д., Кабылбек К., Чилдибаев Д.Б.**
Озеленение школьной территории как фактор формирования экологического образования и воспитания
- 62 **ТЗ блокнот учителя**



ВНЕУРОЧНАЯ ДЕЯТЕЛЬНОСТЬ

- 63 Степанова Н.А., Павлова О.М.
Индивидуальные информационно-исследовательские учебные проекты по ботанике
- 73 Кулёв А.В.
Изучаем фауну России. Краснозобая казарка

Двухлетний импакт-фактор журнала в РИНЦ 0,467
Пятилетний импакт-фактор журнала в РИНЦ 0,244

Главный редактор С.В. Суматохин
Зам. главного редактора Л.Ю. Ганич
Редактор отдела
Е.Н. Огольцова
Ответственный секретарь
Е.Н. Огольцова

Редакционная коллегия:
Е.В. Алексеева, С.В. Алексеев, Н.Д. Андреева,
Е.Н. Арбузова, М.М. Асланян, Т.В. Барсукова,
Е.А. Галкина, Д.С. Ермаков, К.А. Жумагулова, В.М. Захаров,
Е.А. Игумнова, А.А. Каменский, М.П. Кирпичников,
А.В. Кулёв, А.Г. Кузнецова, Н.М. Кузнецова, В.В. Латюшин,
Н.М. Мамедов, В.В. Пасечник, И.Н. Пономарёва, Л.В. Попова,
А.П. Пуговкин, Е.Д. Станиславьевич, С.В. Суматохин,
А.В. Теремов, Е.В. Титов, Т.В. Уткина

Редакция не всегда разделяет мнения и оценки, содержащиеся в материалах.

Адрес редакции и издательства:
корреспонденцию направлять по адресу:
127254, г. Москва, а/я 62
тел.: 8 (495) 619-52-87, 619-83-80
E-mail: biologia@schoolpress.ru
Сайт: <http://www.школьнаяпресса.рф>
E-mail: marketing@schoolpress.ru

К сведению авторов: рукописи, присланные в редакцию, не возвращаются.
Редакция знакомится со всеми письмами читателей, но оставляет за собой право не вступать в переписку.

Издание охраняется Гражданским кодексом РФ (часть 4). Любое воспроизведение материалов, размещенных в журнале, как на бумажном носителе, так и в виде ксерокопирования, сканирования, записи в память ЭВМ, и размещение в Интернете запрещается.

Журнал рекомендован Высшей аттестационной комиссией (ВАК) Министерства образования и науки Российской Федерации в перечне ведущих рецензируемых научных журналов и изданий, в которых должны быть опубликованы основные научные результаты диссертаций на соискание учёной степени доктора и кандидата наук.

Журнал зарегистрирован в базе данных Российского индекса научного цитирования.

Журнал зарегистрирован Федеральной службой по надзору за соблюдением законодательства в сфере массовых коммуникаций и охране культурного наследия, свид. о рег. ПИ № ФС77-38549 от 21 декабря 2009 г.

Формат 84×108/16
Усл. печ. л. 5.0. Изд. № 3721.
Заказ

Учредитель — ООО «Школьная Пресса»

Отпечатано в АО «ИПК «Чувашия»,
428019, г. Чебоксары, пр. И. Яковлева, д. 13

© ООО «Школьная Пресса»,
© «Биология в школе», 2023, № 1



РИБОСОМЫ И БИОСИНТЕЗ БЕЛКА

RIBOSOMES AND PROTEIN BIOSYNTHESIS

Научная статья
УДК 577.2: 372.857

В.В. Иванищев,
доктор биологических наук, профессор,
зав. кафедрой биологии и технологий
живых систем, ФГБОУ ВО «Тулский
государственный педагогический
университет им. Л.Н. Толстого»,
e-mail: avdey_VV@mail.ru

Scientific article

DOI 10.47639/0320-9660_2023_1_3

V.V. Ivanishchev,
Doctor of Biological Sciences, Professor
Head of the Department of Biology and
Technologies of Living Systems, Tula State
Lev Tolstoy Pedagogical University,
e-mail: avdey_VV@mail.ru

Аннотация. Биосинтез белка — один из наиболее хорошо изученных процессов. Однако накопленные экспериментальные результаты показали его значительную сложность. При этом суперфермент — рибосома, традиционно представляемая в виде двух типов 70S и 80S, характеризуется значительным разнообразием структурной организации у разных видов и в разных компартментах клетки, но выполняет одну и ту же функцию — синтез полипептида, регулируемый множеством белков и ферментов за счет энергии в виде АТФ (в начале и конце синтеза) и ГТФ — основного вида энергии для обеспечения процесса

Abstract. Protein biosynthesis is one of the most well studied processes. However, the accumulated experimental results have shown its significant complexity. At the same time, the superenzyme — the ribosome, traditionally represented as two types 70S and 80S, is characterized by a significant variety of structural organization in different species and in different compartments of the cell, but performs the same function — polypeptide synthesis, regulated by many proteins and enzymes due to energy in the form of ATP (at the beginning and end of synthesis) and GTP - the main type of energy to ensure the process

Ключевые слова: рибосомы, синтез белка, полипептидная цепь

Keywords: ribosomes, protein synthesis, polypeptide chain

© Иванищев В.В., 2023

Процесс биосинтеза белка при участии рибосом многогранен и сложен, причем он не предполагает автоматического формирования пространственной структуры, определяющей функционально активную конформацию (пространственную организацию, 3D-структуру) белковой молекулы. При этом в школьном курсе освещаются только основные

моменты, что создает впечатление простоты этого биологического процесса [1, 2]. Однако накопление новых сведений должно служить развитию в понимании процесса синтеза белка, который является только начальным звеном, лишь отчасти определяющим формирование функционально активной структуры белка (или фермента). Следует также отметить особенности

синтеза белка на свободных цитоплазматических (ядерных — по происхождению) рибосомах белков, выполняющих свои функции в цитоплазме. В этом процессе, как правило, задействованы не все рибосомы, поскольку часть их всегда находится в цитоплазме в виде отдельных субъединиц. Белки, используемые за пределами клетки и выходящие в межклеточное пространство (например, коллаген у животных), синтезируются на рибосомах (тоже ядерных — по происхождению), но связанных с цитоплазматической мембраной (шероховатая часть эндоплазматической сети). Другие — «цитоплазматические» рибосомы работают в хлоропластах и митохондриях.

Всё это вызывает необходимость рассмотрения особенностей процесса синтеза белка, как единого целого, протекающего в хорошо известной структуре — рибосоме, как в цитоплазме, так и органеллах клетки.

Участники трансляции

Биосинтез белка возможен в случае одновременного присутствия в среде производных аминокислот в форме аминоацил-тРНК, матрицы в виде иРНК (мРНК) и рибосом, как молекулярных машин, обеспечивающих процесс последовательного присоединения друг к другу аминокислотных остатков с образованием полипептидной цепи, а также разные регуляторные белки и ферменты, облегчающие протекание реакции образования пептидных связей между аминокислотами, отщепление синтезированной полипептидной цепи от тРНК, их освобождение из рибосомы и переход в окружающую среду [3, 4]. Все это обеспечивается энергией АТФ и ГТФ.

Формирование, состав и общее строение рибосом

Гены рРНК, во множестве расположенные в ряде хромосом ядра эукариот, в процессе трансляции обеспечивают образование предшественников рРНК. В ходе их созре-

вания (в том числе укорочения по длине), которое происходит при участии представителей специального класса рибонуклеиновых кислот U-РНК, у эукариот образуется 4 вида рРНК, со следующими величинами коэффициента Сведберга (S), характеризующего их молекулярную массу (больше коэффициент — больше молекулярная масса): 5S, 5,8S, 18S и 28S (25S). При этом происходит химическая модификация отдельных нуклеотидов путем их метилирования с частотой около 1 %. В клетках прокариот величина этих видов рРНК немного меньше: 5S, 16S и 23S. Всего их три [3, 4].

Благодаря сближению комплементарных азотистых оснований за счет образования водородных связей формируется компактная вторичная структура каждого вида рРНК. Далее 18S-рРНК (16S у прокариот) образует комплекс примерно с 30-ю разными белками, в результате чего формируется малая частица рибосомы 40S (30S у прокариот). 5,8S, 28S, 5S рРНК (5S и 23S у прокариот) образуют комплекс примерно с 50–60 разными белками, в результате чего формируется большая частица рибосомы 60S (50S у прокариот). У эукариот формирование частиц происходит в ядре, откуда они через соответствующие поры выходят в цитоплазму. Это — ядерные (эукариотические) рибосомы 80S типа (примерное соотношение по массе РНК: белок = 1 : 1). В митохондриях и хлоропластах образуются «цитоплазматические» (прокариотические) рибосомы 70S типа (примерное соотношение по массе РНК: белок = 2 : 1). Но они остаются внутри соответствующей органеллы и имеют, как описано выше, несколько иной состав рРНК [5].

Таким образом, рибосомы представлены двумя типами и состоят из малых и больших частиц с разными показателями коэффициента Сведберга: ядерные (эукариотические) обозначают, как $80S=60S+40S$, в то время,

как цитоплазматические (в митохондриях и хлоропластах), а также бактериальные (прокариотические) обозначают, как $70S=50S+30S$.

Разнообразие рибосом и особенности строения их рабочих участков

Заявление о существовании двух типов рибосом (80S и 70S) вовсе не означает, что рибосомы в разных организмах имеют молекулярную массу, соответствующую этим величинам коэффициента Сведберга. Показано, например, что «цитоплазматические» рибосомы, функционирующие в митохондриях разных организмов, несмотря на то, что их относят к 70S типу, фактически имеют иные характеристики, определяющие их молекулярную массу, размеры и, следовательно, величину коэффициента Сведберга.

Общим свойством всех рибосом митохондрий является то, что их работу блокируют такие антибиотики, как хлорамфеникол, линкомицин, тетрациклины.

Ядерные по происхождению, но работающие в цитоплазме рибосомы 80S типа, имеют меньший разброс этой характеристики в пределах 79–85S (в том числе 74S рибосомы человека). Особенность рибосом этого типа состоит в том, что их работу блокируют ан-

тибиотики типа циклогексимид и эритромицин. В результате, применяя определенные антибиотики, можно бороться с рядом заболеваний, не нанося какого-либо ущерба основной белок-синтезирующей системе эукариотического организма, использующего для синтеза абсолютного большинства своих белков 80S тип рибосом.

Хлоропластные рибосомы характеризуются тем, что в состав их больших частиц входят рРНК с коэффициентами седиментации 23S, 5S и 4,5S рРНК [7], в то время, как в составе 30S частицы содержится только одна 16S рРНК. Кроме того, в отличие от рибосом *Escherichia coli*, рибосомы хлоропластов содержат иные специфические белки.

Несмотря на различия в строении, все рибосомы выполняют одну функцию, и поэтому в их структуре различают 4 основных контактных центра связывания и протекания реакции [3]:

1. Центр связывания иРНК, образованный участком 18S (или 16S) рРНК (малой частицы).

2. Пептидилный центр (P), где связывается первая метионил-тРНК, и куда перемещается образующаяся в ходе реакции пептидил-тРНК (следующая аминокислот-тРНК, на которую переносится растущая полипептидная цепь).

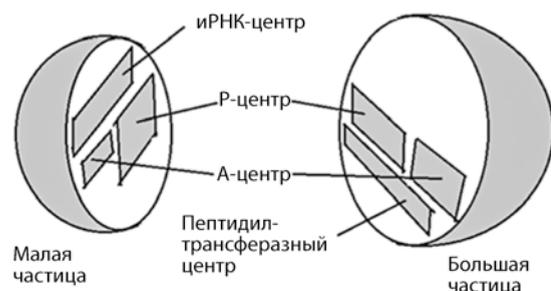
Особенности строения митохондриальных рибосом (миторибосом) некоторых видов организмов [6]

Организм	Коэффициент седиментации	Число типов РНК в БЧ	Число белков в БЧ	Число типов РНК в МЧ	Число белков в МЧ
<i>Escherichia coli</i> (кишечная палочка)	70S	1	33	1	21
<i>Trypanosoma brucei</i> (трипаносома)	50S	1	70	1	57
<i>Saccharomyces cerevisiae</i> (дрожжи)	74S	1	46	1	34
<i>Arabidopsis thaliana</i> (растение)	78S	2	49	1	44
<i>Homo sapiens</i> (человек)	55S	1	50	1	30

*Примечание: БЧ — большие частицы рибосом, МЧ — малые частицы

3. А-центр — место связывания очередной аминоацил-тРНК.

4. Пептидилтрансферазный центр, обеспечивающий перенос пептидного остатка на аминогруппу очередной аминоацил-тРНК.



Активные центры на рибосоме (по [3], с изменениями)

Этапы биосинтеза белка

В трансляции участвуют иРНК (мРНК), которые имеют ряд обязательных структурных компонентов, начиная с 5'-конца: кэп (7-метилгуанозинтрифосфат, в качестве защиты от расщепления внутриклеточными 5'-экзонуклеазами); 5'-не транслируемый участок (для связывания частиц рибосомы в общий комплекс); информативную часть, начинающуюся с триплета (АУГ), кодирующего аминокислоту метионин и завершающуюся одним из стоп-кодонов; 3'-не транслируемую часть, куда продвигается тело рибосомы, чтобы завершить синтез полипептидной цепи; полиадениловый (поли-А) хвост, состоящий из 50–250 нуклеотидов. Длина «хвоста» не только защищает иРНК от расщепления внутриклеточными 3'-экзонуклеазами, но и определяет число копий полипептидной цепи, которое может быть с нее синтезировано.

При этом показана стимулирующая роль отдельных участков такой структуры иРНК на скорость ее синтеза. Так, кэп или поли(А)-хвост по отдельности стимулировали транс-

ляцию более чем в 20 раз по сравнению с иРНК, лишенной обоих признаков. Одновременное присутствие как кэп, так и поли(А)-хвоста усиливало трансляцию еще в 2–8 раз [5]. Такие факты объясняют, почему отсутствие подобной структуры препятствует синтезу фаговых, вирусных и бактериальных белков сразу с момента проникновения их РНК в цитоплазму эукариотической клетки. Поэтому в таких случаях необходимо сначала переписывание этой информации в структуру ДНК (при участии обратной транскриптазы) с последующей модификацией РНК, вновь синтезированной с этой ДНК.

В целом трансляция включает следующие известные шаги: *инициацию*, *элонгацию* и *терминацию* полипептидной цепи.

Инициация начинается со связывания малой 40S частицы рибосомы с 5'-нетранслируемым участком иРНК. Инициаторный кодон АУГ оказывается на уровне пептидного (Р)-участка. Далее в этом центре связывается первая метионил-тРНК, взаимодействующая с таким же участком на большой частице рибосомы. В результате образуется целая рибосома, что обеспечивается энергией АТФ. В А-участке связывается аминоацил-тРНК, несущая следующую аминокислоту.

У эукариот в инициации также участвуют белковые факторы eIF-1, eIF-2, eIF-3 (*eukaryotic initiation factor*), обеспечивающие правильную сборку всего комплекса. Для бактериальных клеток характерны три белковых фактора трансляции, IF1, IF2 и IF3, для дрожжей – 11 [5]. В качестве источника энергии используется ГТФ.

Рибосома работает, как суперфермент, поскольку в ней протекают различные биохимические реакции этапа элонгации [3]. Она начинается с образования пептидной связи между аминокислотным остатком метионина (в Р-центре) и следующей аминокислоты, присутствующей в виде аминоацил-тРНК в

А-центре. В результате происходит перенос остатка метионина на аминогруппу следующей аминокислоты, передвижение всей системы (тРНК с растущей цепью относительно матрицы – иРНК) в направлении 5' 3' за счет энергии ГТФ в Р-участок рибосомы, присоединение следующего аминоацил-тРНК в А-участке рибосомы путем взаимодействия его антикодона с соответствующим кодоном на иРНК (мРНК).

В ходе элонгации полипептидной цепи связывание очередной аминоацил-тРНК в А-центре обеспечивают специальные белки EF1 и EF2 (*elongation factor*) за счет энергии ГТФ. При этом в перемещении иРНК и образованной пептидил-тРНК на один кодон относительно рибосомы (в сторону 3'-конца иРНК) принимает участие белок EF2 — транслоказа, после чего в освобожденном А-участке связывается очередная аминоацил-тРНК. Многократный повтор описанного цикла приводит к синтезу полипептидной цепи.

Таким образом, инициация сразу переходит в элонгацию полипептидной цепи и протекает до тех пор, пока в А-центре не появится один из стоп-кодонов, который вызывает ряд изменений в структуре рибосомы, вслед за чем наступает терминация, в результате которой (при участии специальных белков и ферментов) происходит отщепление синтезированного полипептида, а освобожденные иРНК и тРНК, принеся заключительную аминокислоту, оказываются свободными за счет энергии АТФ, в то время, как тело рибосомы распадается на две частицы [5].

Терминация у эукариот также обеспечивается участием двух белковых факторов терминации eRF (*eukaryotic releasing factor*), которые стимулируют гидролазную реакцию отщепления синтезированного поли-

пептида от тРНК, принеся заключительную аминокислоту.

Необходимо отметить, что в цитоплазме всегда имеет место динамическое равновесие между рибосомами, занятыми в процессе трансляции, и их отдельными свободными частицами. Это обеспечивает некий пул (запас) частиц для быстрого включения синтеза адаптивных белков, которые могут стать жизненно необходимыми в ближайшие минуты после начала действия какого-либо фактора (или стресса). При этом трансляция быстро перепрограммируется, причем трансляционные изменения включают как глобальную репрессию трансляции многих иРНК, так и активацию трансляции специфических генов реакции организма на стресс [5].

Выше отмечено, что длина полиаденилового хвоста иРНК определяет число копий молекул полипептида, которые можно с нее синтезировать. Показано, что с одной иРНК может одновременно синтезироваться сразу несколько полипептидных цепей. То есть на одной иРНК может находиться одновременно несколько рибосом, среднее расстояние между которыми может составлять около 80 нуклеотидов. Такие образования называют полирибосомами (полисомами). При этом скорость перемещения рибосом по иРНК составляет 2–15 нуклеотидов в секунду, у бактерий — 30–50 нуклеотидов в секунду. То есть скорость включения аминокислот в полипептидную цепь соответствует 1–5 (10–20) аминокислотным остаткам в секунду. В результате синтез одной белковой молекулы средней величины завершается в течение 2–3 минут [3].

Особенности трансляции у прокариот, в митохондриях и хлоропластах включают использование рибосом 70S типа, наличие иных белковых факторов инициации, элонгации и терминации, сопряжение транскрипции и трансляции, когда трансляция

может начаться на еще не полностью синтезированной иРНК, значительно меньшим числом синтезируемых белков при участии 22 видов тРНК (в митохондриях) или 30 (в хлоропластах) против примерно 60 в цитоплазме с незначительными вариациями в прочтении генетического кода [5].

Особенности прочтения информации с иРНК

Описанные этапы синтеза белка предполагают последовательное и поочередное прочтение информации иРНК в виде триплетов. Однако было обнаружено динамическое перепрограммирование этого процесса. Показано, что в ходе трансляции может происходить сдвиг рамки считывания (триплета) на -1 , $+1$ или $+2$ нуклеотида (от 5'-к 3'-концу), в результате чего с одной исходной зрелой иРНК (мРНК) могут синтезироваться разные по аминокислотной последовательности белки, обладающие сходными или разными свойствами. Исследователи полагают, что подобное явление может происходить из-за образования в линейной структуре иРНК шпилек, формируемых комплементарными основаниями, расположенными недалеко друг от друга, за счет образования водородных связей.

Кроме того, возможны более значительные «прыжки» рибосомы на несколько десятков нуклеотидов вдоль молекулы иРНК, например, с глицинового кодона перед стоп-кодом внутри этой последовательности на глициновый кодон, который отстоит от первого на 50 нуклеотидов. В результате такого прыжка какой-то участок иРНК оказывается пропущенным для трансляции. Такой механизм репрограммирования, наряду с механизмом альтернативного сплайсинга (созревания предшественников иРНК), позволяет значительно расширить и разнообразить спектр аминокислотной последовательности и функциональных свойств полипептидов (белков

и ферментов), синтезируемых при ограниченном количестве генов организма.

Полагают, что информация (сигнал) для этого действия рибосомы содержится в виде определенной нуклеотидной последовательности, иногда перед шпилечной структурой (или петлей) иРНК.

Кроме того известно, что в состав некоторых белков могут входить очень редкие и необычные аминокислоты, например, селеноцистеин. Результаты исследований показывают, что в этом случае для включения селеноцистеина используется терминирующий кодон УГА в случае, когда после него (на расстоянии до 200 нуклеотидов) имеется определенная нуклеотидная последовательность в 3'-не транслируемой области.

Подобные вариации в процессе трансляции некоторые авторы обозначают термином «второй генетический код».

Таким образом, в результате трансляции синтезируется полипептидная цепь, которая для формирования функционально активной структуры (конформации) – фолдинга может претерпеть значительные изменения, которые происходят как при участии различных ферментов (фолдаз), так и специальных белков – шаперонов [3, 4].

Заключение

Изложенный материал показывает, что представления о строении и функциях рибосом существенно продвинулись в свете понимания их структурной организации и функций. Синтез белка оказывается весьма требовательным к структуре РНК-матрицы, с которой идет считывание информации и его перевод в аминокислотную последовательность белка и несмотря на существенные морфологические и структурные различия рибосом разного происхождения и локализации в клетке, все они обеспечивают один и тот же процесс трансляции. Считывание информации с иРНК в ходе транс-

ляции оказывается также подверженным регулированию, что дает возможность живым системам разнообразить состав, строение и функции белков, не прибегая к увеличению числа генов, кодирующих каждый подобный белок.

Литература

1. Биология. 10 класс. Учебное пособие для общеобразовательных организаций: базовый уровень / [В.В. Пасечник, А.А. Каменский, А.М. Рубцов и др.]; под ред. В.В. Пасечника. М., 2018. 224 с.
2. Вахрушев А.А. Биология. 10–11 кл.: учеб. для организаций, осуществляющих образовательную деятельность. Базовый уровень / А.А. Вахрушев, О.В. Бурский, А.С. Раутиан, Е.И. Родионова, М.Н. Розанов. М., 2015. 400 с.
3. Иванищев В.В. Молекулярная биология: учебник. 2-е изд. М., 2020. – 233 с. – DOI: <https://doi.org/10.29039/01857-6>.
4. Коничев А.С., Севастьянова Г.А. Молекулярная биология: учебник для вузов. М., 2012. 422 с.

5. Dever T.E., Kinzy T.G., Pavitt G.D. Mechanism and Regulation of Protein Synthesis in *Saccharomyces cerevisiae* // Genetics. 2016. V. 203(1). P. 65–107. doi: 10.1534/genetics.115.186221. URL: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC4858804/>.

6. Tomal A., Kwasniak-Owczarek M., Janska H. An Update on Mitochondrial Ribosome Biology: The Plant Mitochondrial Ribosome in the Spotlight // Cells. 2019. V. 8(12). P. 1562-1572. doi: 10.3390/cells8121562. <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC6953067/>.

7. Tiller N., Bock R. The Translational Apparatus of Plastids and Its Role in Plant Development // 2014. V. 7(7). P. 1105-1120. doi.org/10.1093/mp/ssu022. <https://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S1674205214608145>.

8. Иванищев В.В. Классические термины генетики с точки зрения биохимии и молекулярной биологии // Биология в школе. 2022. № 4. С. 3.

9. Иванищев В.В. Проблемы освещения темы репликации ДНК в свете современных представлений молекулярной биологии // Биология в школе. 2022. № 3. С. 3.



ЭТО ИНТЕРЕСНО

Собака способна учуять пахнущее вещество в концентрации, соответствующей одной капле на объём 20 плавательных бассейнов олимпийского размера. И эта собачья способность с давних пор используется для поиска пропавших людей, преступников, наркотиков, взрывчатки и даже дорогостоящих грибов — трюфелей. В последнее время выясняется, что специально тренированный нюх способен ещё на многое: определять больных некоторыми недугами, включая рак, малярию, болезнь Паркинсона. А немецкие исследователи натренировали собак с точностью 97% распознавать по пробам слюны COVID-19 ещё до того, как появятся симптомы. Американские фитопатологи научили собак находить цитрусовые деревья, поражённые опасной бактериальной инфекцией. Причём эти ищейки находят больные деревья уже через 30 дней после заражения, тогда как биохимический анализ позволяет выявить болезнь лишь через три месяца. Точность выявления, если используются совместно два пёсика, составляет 100%.

УЧЕБНО-ИССЛЕДОВАТЕЛЬСКАЯ И ПРОЕКТНАЯ ДЕЯТЕЛЬНОСТЬ ПО БИОЛОГИИ В УСЛОВИЯХ ОБНОВЛЕНИЯ ФГОС ООО

EDUCATIONAL RESEARCH AND PROJECT ACTIVITY IN BIOLOGY UNDER THE CONDITIONS OF UPDATING FEDERAL STATE EDUCATIONAL STANDARDS FOR BASIC GENERAL EDUCATION

Научно-методическая статья
УДК 372.857

В.Г. Смелова,
кандидат педагогических наук,
доцент МГПУ,
e-mail: SmelovaVG@mgpu.ru

Scientific and methodological article
DOI 10.47639/0320-9660_2023_1_10

V.G. Smelova,
candidate of pedagogical sciences,
Associate Professor, Department of
Pedagogical Technologies of Lifelong
Education, Institute of Lifelong Education,
Moscow State University, Moscow,
e-mail: SmelovaVG@mgpu.ru

Аннотация. В статье рассматриваются основные изменения в ФГОС ООО в части организации учебно-исследовательской и проектной деятельности; представлена рабочая программа учебного модуля исследовательской и проектной направленности «Строение скелета. Состав и соединения костей»

Ключевые слова: учебно-исследовательская деятельность, проектная деятельность, модульный курс

© Смелова В.Г., 2023

Abstract. The article discusses the main changes in the Federal State Educational Standards in terms of organizing educational research and project activities; the working program of the educational module of research and project orientation "Structure of the skeleton. Composition and connections of bones" is presented

Keywords: educational and research activities, project activities, modular course

31 мая 2021 г. Приказом Министерства просвещения Российской Федерации утвержден Федеральный государственный образовательный стандарт основного общего образования. Рассмотрим основные изменения, которые были внесены в ФГОС ООО в отношении проектной де-

ятельности в основном общем образовании.

- Проектная деятельность объявлена оцениваемой формой учебной деятельности (п. 31.3).

- Проектная деятельность входит в программу формирования универсальных учебных действий (п. 32.2).

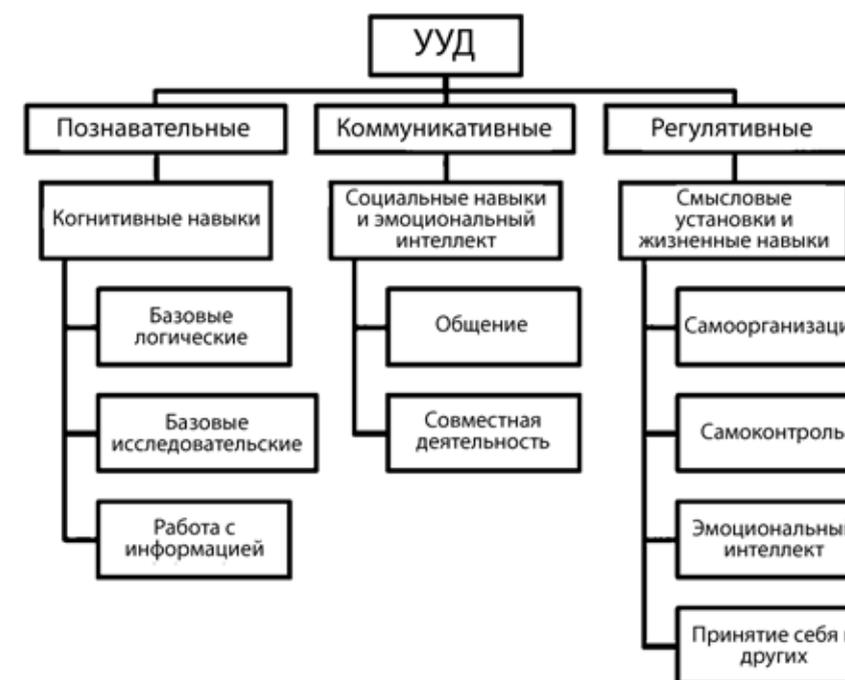
- Проектная деятельность требует создания специальных условий (п. 35.2).
 - Различаются учебные и социальные проекты (п. 41.3).
 - Проектная деятельность относится к предметным результатам по литературе, иностранному языку, обществознанию, физике, биологии, изобразительному искусству и технологии.
 - Учебные проекты могут быть индивидуальными и групповыми.
- Программа формирования универсальных учебных действий у учащихся должна обеспечивать:
- формирование опыта применения универсальных учебных действий в жизненных ситуациях для решения задач общекультурного, личностного и познавательного развития обучающихся, готовности к решению практических задач;
 - повышение эффективности усвоения знаний и учебных действий, формирования компетенций в предметных областях, учеб-

но-исследовательской и проектной деятельности;

- формирование навыка участия в различных формах организации учебно-исследовательской и проектной деятельности, в том числе творческих конкурсах, олимпиадах, научных обществах, научно-практических конференциях;

- овладение приемами учебного сотрудничества и социального взаимодействия со сверстниками, обучающимися младшего и старшего возраста и взрослыми в совместной учебно-исследовательской и проектной деятельности.

Из этого можно сделать выводы: учебно-исследовательская и проектная деятельность рассматриваются в неразрывном единстве; учебные исследования и проекты должны быть связаны с реальными практическими ситуациями; стимулом для этих видов учебной деятельности является участие в конкурсах, олимпиадах; исследовательские и проектные команды могут быть раз-



Структура УУД (ФГОС ООО, ред. 2021)

ПОДПИСКА 2023. I ПОЛУГОДИЕ

Подписывайтесь на журнал «БИОЛОГИЯ В ШКОЛЕ»!

Издается с 1927 года. Входит в перечень ВАК

Статьям журнала присваивается DOI



ПОЧТА РОССИИ **ОФОРМЛЯЙТЕ ПОДПИСКУ НЕ ВЫХОДЯ ИЗ ДОМА**

на сайте podpiska.pochta.ru

в мобильном приложении Почты России

через почтальона

Журнал «БИОЛОГИЯ В ШКОЛЕ»
Подписной индекс П1569

Оформляйте подписку на ПЕЧАТНЫЕ ЖУРНАЛЫ издательства «Школьная Пресса»:

○ В любом почтовом отделении по каталогу **«Подписные издания. Почта России»**

○ На сайте «Почта России»:

<https://podpiska.pochta.ru/publisher/349226>

Открыть ссылку приложением «Камера»



○ Урал-Пресс: <http://www.ural-press.ru>

○ На сайте издательства **SCHOOLPRESS.RU**

Оформляйте подписку на ЭЛЕКТРОННЫЕ ВЕРСИИ ПЕЧАТНЫХ ЖУРНАЛОВ:

○ Вы можете подписаться на наши журналы через электронно-библиотечные системы:
• Ивис - ivis.ru • Руконт - rucont.ru • eLIBRARY.RU – Научная электронная библиотека

○ Подписка на электронные версии печатных журналов оформляется на сайте schoolpress.ru **СКИДКА 500 РУБ. С КАЖДОГО НОМЕРА!**

Электронная версия позволяет: получать журнал быстрее, сэкономить средства за подписку и доставку.

Доставка журнала: pdf-файл – на e-mail подписчика.

Открыть ссылку приложением «Камера»



ВНИМАНИЕ! Вы можете купить отдельную статью и любой номер журнала (в т.ч. за прошедшие годы) в электронном виде на сайте www.schoolpress.ru

Тел.: +7(495) 619-52-87, 619-83-80. E-mail: periodika@schoolpress.ru

ISSN 0320-9660



01



ISSN 0320-9660. Биология в школе, 2023, № 1, 1–80